

## Power Green qPCR Mix (Low ROX+)

货号: P2101a, P2102a, P2103a

### 产品简介

Power Green qPCR Mix (Low ROX+) 是 2×浓缩的实时定量 PCR 预混液，使用时只需加入模板和引物即可进行反应。本品中的 DNA 聚合酶是新一代抗体技术修饰的 Hotstart Taq DNA 聚合酶，在室温下活性被完全抑制，从而可以在室温下配置反应液。采用这种热启动机制可以显著提高定量 PCR 的特异性、扩增效率，得到更广的可定量扩增区域。本品采用了新的增强剂，对各种目的片段 PCR 效率的波动可控制在最小范围内，反复冻融对扩增性能影响极小。本品预混了进口参比染料 ROX，适用于需要低浓度 ROX 校正的定量 PCR 机型，如 ABI 7500 等。

### 产品组成

Component	P2101a (100 rxn/20μl reaction)	P2102a (500 rxn/20μl reaction)	P2103a (1,000 rxn/20μl reaction)
2X Power Green qPCR Mix (Low ROX+) <sup>a</sup>	1 ml	1 ml × 5	1 ml × 10
超纯水	1 ml	1 ml × 5	-

<sup>a</sup> 包含 SYBR® Green I, Hotstart Taq DNA 聚合酶, Aptamer, dNTP, ROX Reference Dye 及反应缓冲液等。

### 保存条件

Power Green qPCR Mix (Low ROX+) -20℃避光保存 2 年，4℃避光可短期保存。

### 质量控制

纯度检测：经质量检测，产品不含脱氧核糖核酸内切酶、脱氧核糖核酸外切酶和核糖核酸酶污染。

功能检测：经不同来源的模板和引物检测，产品具有优秀的特异性、灵敏性及可重复性等。

### 应用举例

#### 1. 配制反应体系（以 ABI 7500 为例）

Component	Volume	Final concentration
DNA template <sup>[1]</sup>	0.5-2 μl	1-4 μl
Forward primer (10 μM) <sup>[2]</sup>	0.2 μl	0.4 μl
Reverse primer (10 μM)	0.2 μl	0.4 μl
2X Power Green qPCR Mix (Low ROX+) <sup>[3]</sup>	5 μl	10 μl
ddH <sub>2</sub> O	Variable	Variable
Total volume <sup>[4]</sup>	10 μl	20 μl

[1] DNA 模板建议用量 (10-20 μl 体系): 1-10 ng cDNA, 或 10-100 ng gDNA。加样体积不宜过小，以免造成较大的误差，但是 cDNA 的量不宜超过总体积的 1/10。

[2] 引物终浓度建议范围: 0.2-0.6 μM。特异性差时可降低浓度，效率低时可提高浓度。

[3] 如果熔解曲线出现杂峰，可以减少 Mix 用量至 8 μl (20 μl 体系)；如果对痕量模板的检出率较低，可以增加 Mix 用量至 12 μl (20 μl 体系)。

[4] 建议总体积不小于 10 μl，以免造成较大的加样误差。具体体积范围参考仪器说明。

注意：本品预混了低浓度的 ROX Reference Dye，适合需要低浓度 ROX 校准的仪器。不同类型仪器的 ROX 用量参照具体仪器说明，下表仅供参考：

Instruments	Final Conc. of ROX
ABI PRISM 7000/ PRISM 7700/ 7300/ 7900HT/ StepOne/ StepOnePlus/ GeneAmp 5700	500 nM, high ROX
ABI 7500/ 7500 Fast/ ViiA 7/ QuantStudio 6/7/12K Flex; Agilent Stratagene Mx3000P/ Mx3005P/ Mx4000	50 nM, low ROX
Bio-Rad CFX96/ CFX384/ iQ/ iQ5; MJ Research Opticon 2/ Chromo 4; Roche LightCycler 480/ 96; Corbett Rotor Gene G/ Q/ 3000/ 6000; Thermo PikoReal 96; Eppendorf MasterCycler ep realplex; Cepheid Smart Cycler	No ROX

#### 2. 设定反应程序进行 qPCR 反应

请根据实验需要参考以下示例进行程序设置：

两步法程序示例如下：

Stage		Temperature	Time	Cycle
Initial denaturation		94°C	3 min	1
Amplification	Denaturation	94°C	10 sec	40
	Annealing&Extension <sup>[2]</sup>	60°C	30 sec	
Melting curve analysis (optional) <sup>[4]</sup>		95°C	15 sec	1
		60°C	60 sec	
		95°C	15 sec	

经典三步法扩增效率较高，程序示例如下：

Stage	Temperature	Time	Cycle
Initial denaturation	94°C	3 min	1
Amplification	Denaturation	94°C	15 sec
	Annealing	55-65°C <sup>[1]</sup>	15 sec
	Extension <sup>[2]</sup>	72°C	20 sec <sup>[3]</sup>
Melting curve analysis (optional) <sup>[4]</sup>			

极速三步法可快速完成反应，程序示例如下：

Stage	Temperature	Time	Cycle
Initial denaturation	94°C	3 min	1
Amplification	Denaturation	94°C	5 sec
	Annealing	55-65°C <sup>[1]</sup>	5 sec
	Extension <sup>[2]</sup>	72°C	5-10 sec <sup>[3]</sup>

Melting curve analysis (optional) <sup>[4]</sup>

[1] 最适退火温度需要摸索。退火温度一般设定为所用引物的 Tm-5°C，若低于 55°C，则以 Tm 值为退火温度，一般不低于 55°C。

[2] 在此步设置信号采集。

[3] 设置延伸时间时请考虑仪器类型，有些仪器需要设置 30 sec 以上。采用极速三步法时，150 bp 以内的扩增子可设置为 5 sec，150-300 bp 的扩增子可设置为 10 sec，300 bp 以上的扩增子可适当延长时间。

[4] 不同仪器熔解曲线采集程序不同，一般按仪器默认熔解曲线采集程序即可。

### 3. 分析结果

观察扩增曲线；调整基线，计算 Ct 值；观察熔解曲线检测特异性；进行相对或绝对定量。

### 注意事项

- ① 使用前 Mix 需要完全解冻，充分混匀。尽量避免反复冻融。短期使用可避光保存于 4°C。
- ② 本品灵敏度较高，在配制反应体系时注意避免气溶胶污染引起非特异性扩增。
- ③ 将 (n+x) 份反应液混匀后再分注到 n 个单管中，可降低加样误差。（n 为重复次数，x 为损耗量，一般为 n 的 1/10）
- ④ 轻轻混匀反应液，避免产生气泡，气泡会干扰荧光检测。可瞬时离心去除气泡。
- ⑤ 引物的特异性、用量以及退火温度是影响实验结果的重要因素。务必设计特异性好的引物，随实验结果适当调整引物用量（0.05-0.9 μM）——特异性较差时减少引物用量，或以 3°C 为增量提高退火温度，扩增效率较低时增加引物用量。
- ⑥ DNA 模板的量应小于 500 ng/反应，过高的模板量会引起非特异性扩增。应根据模板类型与基因表达量适当调整用量。
- ⑦ 熔解曲线的采集不是必须的，初次使用的引物建议进行熔解曲线采集。熔解曲线可以看出产物的特异性。产物特异性不好的原因有：引物特异性低；退火温度设置偏低；引物/模板浓度偏高；等。同时，建议通过琼脂糖凝胶电泳检测产物的特异性。

本品仅供科学研究使用。